DÉBORA EVELYN CHRISTO DOS SANTOS

REGRESSÃO E *DEEP LEARNING* APLICADOS EM MODELAGEM DE ÁRVORE INDIVIDUAL PARA EUCALIPTO

Dissertação apresentada à Universidade Federal de Viçosa, como parte das exigências do Programa de Pós-Graduação em Ciência Florestal, para obtenção do título de *Magister Scientiae*.

Orientador: Helio Garcia Leite

VIÇOSA – MINAS GERAIS 2021

Ficha catalográfica elaborada pela Biblioteca Central da Universidade Federal de Viçosa - Campus Viçosa

Т	
	Santos, Débora Evelyn Christo dos, 1995-
S237r 2021	Regressão e <i>deep learning</i> aplicados a modelagem em nível de árvore individual para plantios de eucalipto [recurso eletrônico] / Débora Evelyn Christo dos Santos. – Viçosa, MG, 2021.
	1 dissertação eletrônica (43 f.): il. (algumas color.).
	Orientador: Helio Garcia Leite.
	Dissertação (mestrado) - Universidade Federal de Viçosa. Referências bibliográficas: f. 39-43.
	DOI: https://doi.org/10.47328/ufvbbt.2021.033 Modo de acesso: World Wide Web.
	1. Florestas - Manejo. 2. Aprendizado profundo. 3. Redes neurais (Computação). I. Universidade Federal de Viçosa. Departamento de Engenharia Florestal. Programa de Pós-Graduação em Ciência Florestal. II. Título.
	CDO adapt. CDD 22. ed. 634.96242

DÉBORA EVELYN CHRISTO DOS SANTOS

REGRESSÃO E DEEP LEARNING APLICADOS EM MODELAGEM DE ÁRVORE INDIVIDUAL PARA EUCALIPTO

Dissertação apresentada à Universidade Federal de Viçosa, como parte das exigências do Programa de Pós-Graduação em Ciência Florestal, para obtenção do título de Magister Scientiae.

APROVADA: 30 de junho de 2021.

Assentimento:

Débora Evelyn Christo dos Santos Autora

Helio Garola Leite

Orientador

AGRADECIMENTOS

A Deus, pela vida e por todas as bençãos.

À minha Família, em especial aos meus pais, Janete e Vanderci, pelo amor, incentivo e apoio incondicional.

Ao meu Orientador Helio Garcia Leite agradeço pela paciência, motivação, orientação e por todos ensinamentos valiosos.

Ao Professor Carlos Alberto Araújo Júnior por todo aprendizado transmitido e ajuda.

Ao Leonardo Fardin e Gianmarco por toda contribuição, incentivo, disposição e paciência. Aos amigos da pós que sempre se fizeram presentes nesta jornada.

Ao Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico (CNPq), pela concessão da bolsa de estudos.

À Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior (CAPES), pela concessão da bolsa de estudos.

E por fim, fico muito grata a todos aqueles que de alguma forma contribuíram para construção desse trabalho e para conquista de mais uma etapa em minha vida profissional!

Muito obrigada!

RESUMO

SANTOS, Débora Evelyn Christo, M.Sc., Universidade Federal de Viçosa, junho de 2021. **Regressão e** *Deep Learning* **aplicados em modelagem de árvore individual para eucalipto.** Orientador: Helio Garcia Leite.

Neste estudo avaliamos a eficiência do emprego de redes neurais, convencionais e profundas (deep learning), em relação ao emprego de regressão, para projetar diâmetro (dap), altura total (Ht) e sobrevivência (N) em povoamentos de eucalipto. O estudo foi conduzido com dados de parcelas permanentes de inventários florestais contínuos de povoamentos de eucalipto localizados no estado de Minas Gerais. Para o processamento dos dados com uso de regressões e redes neurais convencionais utilizamos o software Statistica 12 e para redes profundas o software R. Os dados foram preliminarmente separados para treinamento (50%) e validação (50%) utilizando um algoritmo genético implementado no software Select2.0. A eficiência relativa dos dois métodos de aprendizado de máguinas, em relação às regressões, foi feita com base nas estatísticas: coeficiente de correlação linear entre valores observados e correspondentes valores estimados ou preditos ($r_{\hat{y}y}$), viés (bias) e raiz quadrada do erro quadrático médio (RQEM). Foi utilizada, de modo complementar, a análise gráfica dos erros relativos (ER%), a análise da relação entre valores observados e estimados e a distribuição de frequência de ER%. Os resultados das modelagens foram eficientes, as Rna convencional e profunda apresentaram melhores desempenhos estatísticos comparada a regressão para estimativa de dap₂, Ht₂ e N₂. Concluiu-se que os métodos de aprendizagem de máquina utilizados são eficientes e aumentam a exatidão das estimativas de diâmetro e altura de árvores na modelagem de árvore individual.

Palavras-chave: Aprendizagem profunda. Manejo Florestal. Redes neurais artificiais.

ABSTRACT

SANTOS, Débora Evelyn Christo, M.Sc., Universidade Federal de Viçosa, June, 2021. **Regression and Deep Learning applied in single-tree modeling for eucalyptus.** Advisor: Helio Garcia Leite.

We calculate the efficiency of using conventional and deep learning neural networks in relation to the use of regression to project diameter (DBH), total height (TH), and survival (S) in eucalyptus stands. The data were from permanent plots of continuous forest inventories of eucalyptus stands located in Minas Gerais. We used the software Statistica 12 for data processing using regressions and conventional neural networks and, R software for deep networks. The data were preliminarily separated for training (50%) and validation (50%) using a genetic algorithm executed in the software Select2.0. We found the relative efficiency of two machine learning methods, in relation to regressions, based on the statistics: linear correlation coefficient, bias, and mean square root error (MSRE). The graphical analysis of relative errors (RE%), the analysis of the comparing observed values with the expect values, and the frequency distribution of RE% were used in a complement way. The results of the modeling were efficient, conventional and deep ANN showed better statistical performances compared to regression for estimation of DBH₂, TH₂ and S₂. We concluded that the machine learning methods used could themselves be a potential alternative for estimating dendrometric variables presenting efficiency and increased accuracy in single-tree modeling.

Keywords: Deep learning. Forest management. Artificial neural networks.

LISTA DE ILUSTRAÇÕES

Figura 1 - Estrutura da RNA16
Figura 2 - Diferenças de rede neural convencional e rede neural profunda de acordo
com as camadas ocultas17
Figura 3 - Mapa de localização dos municípios da área de estudo18
Figura 4 - Curvas de índices de sítio para povoamento de clones híbridos de
Eucalyptus urophylla X Eucalyptus grandis localizados no estado de Minas Gerais
com idade-índice de 72 meses25
Figura 5 - Análise gráfica dos resíduos dos modelos de regressão para variável dap2
Figura 6 - Análise gráfica dos resíduos dos modelos de regressão para variável Ht $_2$
Figura 7 - Análise gráfica dos resíduos do modelo de regressão Pienaar e Shiver
(1981) para variável N $_2$
Figura 8 - Análise gráfica das RNA convencional e profunda para variável dap233
Figura 9 - Análise gráfica das RNA convencional e profunda para variável Ht233
Figura 10 - Análise gráfica das RNA convencional e profunda para variável N234
Figura 11 - Faixa de dados discrepantes na modelagem de árvore individual35
Figura 12 - Erro relativo em função das idades (meses) para projeção de Dap₂ das
árvores individuais
Figura 13 - Erro relativo em função das idades (meses) para projeção de Ht $_2$ das
árvores individuais
Figura 14 - Erro relativo em função das idades (meses) para projeção de N237

LISTA DE TABELAS

Tabela 1 - Modelos de regressão ajustados para diâmetro e altura total	22
Tabela 2 - Variáveis utilizadas no treinamento de redes neurais artificiais para	
predição de diâmetro, altura e sobrevivência de árvores	23
Tabela 3 - Curvas de índices de sítio para clones e híbridos de Eucalyptus urophyll	а
X Eucalyptus grandis	26
Tabela 4 - Estimativas dos parâmetros dos modelos de regressão ajustados para	
estimar o diâmetro futuro (dap2) de árvores de eucalipto na área de estudo e	
correspondentes estatísticas de precisão e de exatidão	27
Tabela 5 - Estimativas dos parâmetros dos modelos de regressão ajustados para	
estimar a altura total futura (Ht ₂) de árvores de eucalipto na área de estudo e	
correspondentes estatísticas de precisão e de exatidão	29
Tabela 6 - Parâmetros do modelo de regressão para variável N2	31
Tabela 7 - Parâmetros das RNA convencional e profunda paras variáveis dap2 e Ht	t2.
	32
Tabela 8 - Parâmetros das RNA convencional e profunda paras variáveis N2	34

SUMÁRIO

1.	INTRODUÇÃO	9
2.	OBJETIVOS	.11
3.	REVISÃO BIBLIOGRÁFICA	.12
4.	MATERIAL E MÉTODOS	.18
4 4 4 4	 DADOS	.18 .20 .21 .23 .23 .23 .23
5.	RESULTADOS E DISCUSSÃO	.25
5 5 5 5	 CLASSIFICAÇÃO DA CAPACIDADE PRODUTIVA	.25 .26 .32 .35
6.	CONCLUSÕES	.38
RE	FERÊNCIAS	.39

1. INTRODUÇÃO

Os plantios do gênero Eucalyptus ocupam uma área de aproximadamente 7,6 milhões de hectares no Brasil, sendo o gênero florestal mais cultivado no país. A produção madeireira é destinada à produção de celulose, papel, madeira serrada, painéis de madeira, pisos laminados, carvão vegetal e biomassa (IBGE, 2019).

A administração e o manejo das florestas equiâneas para o atendimento das metas anuais de produção levam consigo o aporte constante das atividades de pesquisa e planejamento, buscando eficiência e adaptabilidade às condições do solo e do clima para atingir maior produtividade. O planejamento florestal permite conduzir ações durante o ciclo de corte do povoamento, visando maximizar o retorno econômico do investimento florestal, com garantias de sustentabilidade (VEGA, 2018).

Para o manejo adequado da floresta é necessário o conhecimento de seu estoque em crescimento e da colheita. Dentre as técnicas relacionadas ao manejo florestal, a modelagem do crescimento e da produção de plantios comerciais de eucalipto no Brasil apresenta-se bem aplicada, e com avanços significativos nesta área (MARTINS, 2011). A modelagem pode ser de crescimento e produção em nível de povoamento, árvore individual e modelagem de distribuição de diâmetros (CASTRO, 2011; MARTINS, 2011).

A modelagem de crescimento e produção em nível de árvore individual, gera resultados detalhados das estruturas horizontal e vertical e pode ser utilizada para simular tratamentos silviculturais como desbaste e a desrama artificial, além disso, ao somar os volumes de árvores individuais é obtido o volume por hectare (CAMPOS; LEITE, 2017). Um modelo de árvore individual (MAI) é constituído por sistema de equações e procedimentos para projeção (ou predição) de diâmetro e altura de árvores individuais, além de um componente de mortalidade, ou sobrevivência (MARTINS, 2011).

Buscando alternativas ao procedimento tradicional de modelagem em nível de árvore individual, realizado por meio dos sistemas de equações, mais recentemente tem sido empregado modelos de inteligência artificial, como redes neurais artificiais e máquinas vetor de suporte (SILVA et al., 2009; CASTRO, 2011; MAGALHÃES, 2014; VEGA, 2018). Esses métodos de aprendizado de máquinas podem ser utilizados para prognose de produção volumétrica em nível de povoamento, classe de diâmetro (BINOTI et al., 2013; BINOTI, 2010; LEDUC, et al., 2001; VEGA, 2018) e árvores

individuais (CASTRO, 2011). Por serem métodos relativamente novos é sempre importante verificar a eficiência do uso dos mesmos em diferentes condições e tipos de povoamentos.

No presente estudo avaliamos a eficiência do uso de redes neurais artificiais convencionais e redes profundas (deep learning), em relação ao emprego de regressão, para projetar diâmetro e altura de árvores em povoamentos de eucalipto. Foi objetivo, também, avaliar a exatidão de estimativas de sobrevivência obtidas com as duas técnicas de aprendizado de máquinas.

2. OBJETIVOS

Este estudo teve por objetivos:

- a) Análise de alternativas de modelagem em nível de árvore individual para povoamentos de eucalipto utilizando regressão;
- b) Modelagem do crescimento em nível de árvore individual empregando regressão, redes neurais artificiais e redes neurais profundas;
- c) Avaliação da eficiência do uso de dois métodos de aprendizado de máquinas na predição de diâmetro e altura de árvores individuais, em relação ao emprego de regressão;
- d) Avaliar a exatidão de sobrevivências preditas por redes neurais em povoamentos de eucalipto.

3. REVISÃO BIBLIOGRÁFICA

Os plantios do gênero eucalipto ocupam 7,6 milhões de hectares do total de áreas florestadas, enquanto as áreas com pinus somam dois milhões de hectares, e outras espécies, entre elas seringueira, acácia, teca e paricá, representam cerca de 387 mil hectares (IBGE, 2019). Os plantios estão localizados principalmente nos Estados de Minas Gerais, São Paulo e Mato Grosso do Sul e a madeira é destinada principalmente para produção de celulose carvão vegetal (IBÁ, 2020).

O inventário florestal permite conhecer informações quantitativas e qualitativas de povoamentos florestais gerando informações para uso direto ou indireto em planejamento e manejo florestal para que assim se possa decidir sobre aproveitamento, densidade de desbaste, produtividade anual e intervenções nos povoamentos (CAMPOS; LEITE, 2017).

A estimação de crescimento e produção é feita usualmente com emprego de modelos estatísticos. Estes modelos são agrupados em modelos em nível de povoamento, de distribuição de diâmetros e de árvores individuais (DAVIS; JOHSON, 1987; VEGA, 2018).

Os modelos em nível de árvore individual são sistemas de equações e procedimentos utilizados para estimar crescimento e produção de povoamentos tendo como unidades de modelagem as árvores, em vez de parcela (CAMPOS; LEITE, 2017; AVERY; BURKHART, 1994). Esse tipo de modelagem é importante no planejamento florestal, pois fornecem informações detalhadas sobre a dinâmica e a estrutura horizontal e vertical do povoamento, incluindo a distribuição de volume por classe de tamanho (CLUTTER et al., 1983), além de diferentes enfoques para expressar a competição (CAMPOS; LEITE, 2017).

Esses sistemas constituídos permitem gerar equações para projeção de diâmetro, de uma função de mortalidade e de uma função de crescimento para altura, ou de uma relação hipsométrica; o volume por hectare é obtido ao somar volumes de árvores individuais (HASENAUER, 2000; CAMPOS; LEITE, 2017). Diferente dos modelos em nível de povoamento, para a construção dos modelos de árvore individual há necessidade de dados específicos do tamanho de cada árvore dentro do povoamento e, em alguns casos, da distribuição espacial de cada árvore e das classes de altura e copa em que a árvore se encontra (CLUTTER et al., 1983; VANCLAY, 1995; CAMPOS; LEITE, 2017).

Um sistema de equação usado para estimar crescimento em nível de árvore individual é composto por três submodelos, sendo eles: mortalidade, regeneração ou ingresso e crescimento dimensional (GUAN; GERTNER, 1991; HAUSENAUER, 2000).

Dentre os submodelos do sistema, a mortalidade é o mais dificíl de se modelar devido a dificuldade de prever (ROSSI et al., 2007; MARTINS, 2011 CASTRO et al., 2013). Existem dois tipos de mortalidade: a regular e a irregular. A ocorrência do tipo de mortalidade irregular é devido ações antrópicas, isto é, causadas por pragas, incêndios, danos mecânicos, catástrofes ambientais entre outras causas que são difíceis de prever. O tipo regular é em decorrência de fatores não catastróficos como competição, fatores genéticos e senescência, a qual pode ser mensurada (LEE, 1971; PEET; CHRISTENSEN, 1987; CAMPOS; LEITE, 2017; ROSSI et al., 2007; CASTRO, 2011).

Para estimar a mortalidade do tipo regular, são utilizados os índices de competição. Os modelos utilizados podem ser classificados de acordo com o índice de competição os quais são denominados: modelo de distância independente e modelo de distância dependente (CAMPOS; LEITE, 2017; GLOVER; HOOL, 1979).

O modelo de distância independente não considera a distância e o porte das árvores vizinhas, este modelo é composto de uma função de crescimento em diâmetro, uma função para estimar crescimento em altura e um componente de mortalidade. No modelo de distância dependente além dos fatores considerados no modelo anterior é considerada a localização das árvores vizinhas nos índices de competição (CAMPOS; LEITE, 2017).

Ainda sobre o submodelo de mortalidade, de acordo com Campo e Leite (2017) mortalidade e sobrevivência de árvores são variaveis complementares, ou seja, obter o conhecimento de uma induz ao conhecimento da outra. Sendo assim, a modelagem para estimar a sobrevivência futura apresenta-se como alternativa para explicar a mortalidade regular das árvores dentro de um povoamento.

O submodelo regeneração ou ingresso refere-se ao recrutamento ou ingresso, ou seja, os indivíduos medidos em uma idade qualquer que não foram medidos em idades anteriores, por não alcançarem um tamanho mínimo predeterminado (HASENAUER, 2000; CAMPOS; LEITE, 2017; MARTINS, 2011). Em florestas plantadas, normalmente descondidera-se este submodelo tendo em vista o diâmetro mínimo de medição e a idade inicial de medição (MARTINS, 2011).

E o último submodelo é o que modela crescimento e produção. Esse submodelo pode variar no modo de simular, mas geralmente contêm três componentes primários de crescimento: crescimento em diâmetro, crescimento em altura e crescimento da copa. Quando incorporado no modelo crescimento e produção uma função de mortalidade podem ser simuladas produções e estruturas futuras do povoamento florestal (CAMPOS; LEITE, 2017).

De forma individual as árvores de um povoamento florestal são modeladas para estimar crescimento em diâmetro e altura e o tamanho da copa, além de sobrevivência (DAVIS; JOHNSON, 1987 citado por CAMPOS; LEITE, 2017). São exemplos de sistemas de árvore individual: Ptaeda (DANIELS; BURHART, 1975), Prognosis (STAGE, 1973; WYKOFF, 1990) e Stems (BELCHER et al., 1982). Uma das aplicações desses sistemas é na simulação de desbastes, conforme mostrado em Wykoff et al. (1982), para o Prognosis.

Além dos sistemas de equações, mais recentemente tem sido empregado modelos de inteligência artificial, como redes neurais artificiais e máquinas vetor de suporte (SILVA et al., 2009; CASTRO, 2011; MAGALHÃES, 2014; VEGA, 2018). As redes neurais artificiais são capazes de realizar prognose de produção volumétrica em nível de povoamento, classe de diâmetro (BINOTI et al., 2013; LEDUC, et al., 2001; VEGA, 2018) e árvores individuais (CASTRO, 2011) sendo uma técnica eficiente para modelagem, prognose e outras aplicações em manejo florestal (BINOTI, 2010).

Redes neurais artificiais (RNA) são sistemas computacionais paralelos constituídos de várias unidades de processamento simples, conectadas entre si, para calcular determinadas funções matemáticas, sendo este modelo computacional inspirado no sistema nervoso de seres vivos (HAYKIN, 2001; SILVA et al. 2010).

De acordo com Silva et al. (2009) na área florestal estudos tem indicado a eficiência da aplicação das redes neurais artificiais para descrever comportamento de variáveis dendrométricas em comparação aos modelos de regressão, possibilitando redução de custos e aumento da exatidão.

Conforme Binoti (2012), os estudos na área de RNA se justificam por diversas propriedades úteis e capacidade como: tolerância a falhas e ruídos, aprendizagem e

generalização a partir de dados de treinamento, paralelismo massivo que as tornam muito eficientes, uniformidade de análise e projetos, analogia neurobiológica, mapeamento entrada-saída e não linearidade.

A RNA também trata problemas em sua aprendizagem como: classificação de padrões, aproximação de função, agrupamento de dados, otimização, recuperação de conteúdo, predição (séries temporais) e controle (BINOTI, 2012), sendo uma área de pesquisa multidisciplinar (VENDRUSCOLO et al, 2015).

A utilização de RNA na ciência florestal brasileira é recente, no entanto, tem sido cada vez mais frequente a utilização dessa técnica para estimação de diversos parâmetros florestais. Muitas vezes os resultados tem sido melhores do que aqueles obtidos pelo emprego de regressão (VENDRUSCOLO et al, 2015).

Diversos estudos tem reportado a eficiência de RNA para situações como: estimação de volume, altura, afilamento, crescimento e produção (VENDRUSCOLO et al, 2015). Uma das grandes vantagens do uso de RNA, é que elas possibilitam a utilização de variáveis dendrométricas, edáficas, climáticas, regiões, entre outras (BINOTI, 2010; VENDRUSCOLO et al, 2015).

Segundo Haykin (2001), uma RNA pode ser constituída por uma ou mais camadas. Cada camada pode conter um ou mais neurônios (unidades de processamento simples). Silva et al. (2010) relatam que a RNA pode ser dividida em 3 camadas: camada de entrada, camada oculta e camada de saída. A camada de entrada recebe as informações (dados) advindas do meio externo, nesta mesma camada os dados geralmente são normalizados, para uma melhor precisão numérica frente as operações matemáticas realizadas pela rede. A camada oculta, é constituída de neurônios que são responsáveis por extrair as características associadas ao sistema a ser inferido. E por fim, a camada de saída, a qual também é composta por neurônios que possuem a função de produzir e apresentar os resultados finais da rede (Figura 1).



Fonte: HAYKIN, 2001.

Na ciência florestal os principais tipos de redes utilizadas são as Multilayer Perceptron (MLP) e Radial Basis Function (RBF) (BINOTI, 2012; CASTRO; 2011). Redes MLP são redes de multicamadas alimentadas adiante, que possuem uma ou mais camadas de neurônios na camada oculta, que conseguem extrair padrões nãolineares dos dados, por outro lado as RBF apresentam somente uma camada oculta extraindo apenas padrões lineares na camada de saída (LIPPNANN, 1987; BRAGA et al., 2000; HAYKIN, 2001).

De acordo com Silva et al. (2010) o treinamento de uma RNA inicia pela apresentação dos dados (variáveis de entrada e saída) a uma arquitetura préestabelecida ou não. A arquitetura de uma RNA consiste na maneira como os neurônios estão estruturados e suas conexões, ou seja, número de camadas da rede, número de neurônios em cada camada e tipo de conexão entre os neurônios (BRAGA et al., 2000).

O processo de treinamento inicia com valores aleatórios dos pesos e esses pesos são atualizados de acordo com o algoritmo utilizado. O principal algoritmo utilizado é o back-propagation que, de acordo com Miguez et al. (2012), é algoritmo computacionalmente eficiente para o treinamento de redes MLP (Multilayer Perceptron) e que resolve o problema de realizar a propagação reversa do erro em RNAs com múltiplas camadas. Com base nestes valores obtidos, a primeira saída é comparada com o respectivo valor real da primeira observação. A diferença entre a saída estimada pela rede e o valor real gera um sinal de erro que calibra o ajuste de pesos, iniciando assim um novo ciclo, a fim de aproximar a saída do resultado desejado, ou seja, de minimizar o erro (HAYKIN, 2001). De acordo com Silva et al. (2010) as funções de ativação podem ser do tipo: linear, sigmoide ou tangente hiperbólica. Basicamente as funções de ativação calculam o estado de atividade do neurônio decidindo se o neurônio deve ser ativado ou não, isto é, se a informação fornecida por ele é relevante ou não para desempenhar a tarefa.

O uso da técnica de RNA na modelagem de árvores individuais é encontrado em Guan e Gertner (1991), que construíram um modelo utilizando redes RBF para estimativas de mortalidade para árvores de Pinus, Hasenauer e Merkl (1997), que estimaram mortalidade de Picea abies na Áustria, Castro (2011 e 2012), que utilizou redes MLP para estimar a mortalidade de árvores de Eucalyptus no Brasil.

A diferença entre uma rede neural profunda (deep learning) e uma rede convencional é que a deep learning possui múltiplas camadas ocultas (Figura 2) de transformações não lineares, sendo geralmente utilizada para problemas relativamente mais complexos (DATA SCIENCE ACADEMY, 2019; DATA CAMP, 2018).





Redes neurais profundas tem sido utilizadas para diagnóstico de doenças por meio de classificação de imagens (SOUZA et al., 2019), reconhecimento de imagens de trânsito (SOBRINHO et al., 2016), algoritmos de recomendação de conteúdos pela Netflix, Instagram, Amazon e Spotify (MIRANDA, 2017; SILVA, 2016; CARRANZA, 2018) e, mais recentemente, identificação de áreas de desmatamento (TAQUARY, 2019), identificação de queimadas (OLIVEIRA, 2019), reconhecimento de espécies utilizando imagens digitais da madeira (OLIVEIRA, 2018) e reconhecimento de espécies a partir de imagens digitais dos troncos (COTRIM; PEDRINI, 2019).

4. MATERIAL E MÉTODOS

4.1. Dados

Para este estudo foram utilizados dados provenientes de 1061 parcelas permanentes de inventário florestal contínuo (IFC) realizado em povoamentos de clones de híbridos de *Eucalyptus urophylla X Eucalyptus grandis* entre os anos de 2012 e 2019. Os mesmos se encontram em fazendas localizadas nos municípios de Virginópolis e Sabinópolis, ambos no Estado de Minas Gerais (Figura 3), sob regime de alto fuste.



Figura 3 - Mapa de localização dos municípios da área de estudo

As medições foram realizadas nas idades de 16 a 103 meses, sendo registrados os seguintes dados: parcela, área da parcela, medição, cova, fuste, idade, diâmetro à altura de 1,30 m (dap) e altura total (Tabela 1).

Em cada parcela foram mensurados os diâmetros à 1,30 m do solo (dap) maiores que 5,0 cm e as alturas totais das 15 primeiras árvores. A altura dominante (Hd) de cada parcela em cada medição foi definida pelo critério de Assmann/Hummel (ASSMANN, 1970), calculando-se a média das alturas das 100 árvores de maior diâmetro por hectare. A altura total das demais árvores foi estimada a partir da equação (1), ajustada considerando a base de dados observados.

$$LnHt = 2,1406 + \left(\frac{-5,7469}{dap}\right) + 0,3470 * LnIdade \qquad R^2 = 0,7968, RQME = 11,8\%$$
(1)

em que: dap é o diâmetro com casca medido a 1,30 m de altura (cm), Ht é a altura total (m), idade é a idade (meses), Ln é o logaritmo neperiano, R² é o coeficiente de determinação e RQME é a raiz quadrada do erro médio, em porcentagem da média.

Idade (meses)	Variáveis	Média	Mínimo	Máximo
	Dap (cm)	10,2	5,0	19,9
	Ht (m)	13,7	5,8	24,9
24	В	0,2381	0,0194	0,4641
	Vol/há	55,9805	2,4150	124,5768
	N/há	949	445	1474
	Dap (cm)	12,0	5,0	25,9
	Ht (m)	16,8	7,3	31,7
36	В	0,3299	0,0963	0,6272
	Vol/há	92,5283	13,3950	262,5006
	N/há	956	405	1474
	Dap (cm)	14,2	5,0	25,0
	Ht (m)	21,1	9,9	31,1
48	В	0,4638	0,1427	0,7981
	Vol/há	160,3168	32,9369	298,6483
	N/há	953	461	1340
	Dap (cm)	15,2	5,0	29,5
	Ht (m)	23,2	9,4	34,0
60	В	0,5319	0,0511	0,9064
	Vol/há	202,7452	20,9376	372,8622
	N/há	945	464	1360
	Dap (cm)	15,8	5,0	33,2
	Ht (m)	24,6	9,1	36,7
72	В	0,5866	0,0287	1,3370
	Vol/há	236,4571	11,1799	517,1700

Tabela 1 - Algumas estatísticas descritivas dos dados utilizados no estudo

	N/há	961	707	1247
	Dap (cm)	16,7	5,1	29,5
	Ht (m)	26,4	11,1	40,0
84	В	0,6589	0,2663	1,2292
	Vol/há	282,1165	90,9709	473,6610
	N/há	984	601	1221
	Dap (cm)	17,8	5,4	30,2
	Ht (m)	28,8	10,9	41,5
96	В	0,7338	0,0366	1,0238
	Vol/há	334,4538	17,4900	562,4438
	N/há	1004	614	1217

O volume individual com casca (*V_{cc}*) de cada árvore foi estimado com uma equação de volume já disponível para os povoamentos:

 $V_{cc} = Exp(-10,0357 + 1,9002LnDap + 1,0248LnHt)$ R² = 0,9934 RQME = 2,40% (2), em que: dap é o diâmetro com casca medido a 1,30 m de altura (cm), Ht é a altura total (m), Ln é o logaritmo neperiano, R² é o coeficiente de determinação e RQME é a raiz quadrada do erro médio, em porcentagem da média.

4.2. Construção de curvas de índice de sítio e projeção da sobrevivência

Antecedendo o ajuste de modelos de crescimento e de sobrevivência para árvore individual, foi feita a classificação da capacidade produtiva das áreas de estudo. O método da curva-guia foi aplicado para uma idade-índice de 72 meses, sendo construídas curvas anamórficas de índices de sítio, com amplitude de 2 m na

idade-índice. O modelo utilizado foi o Gompertz, $Hd = \beta_0 e^{-e(\beta_1 - \beta_2 I)}$ (3), em que: Hd é a altura dominante (m), I a idade (meses), e β_0 ; β_1 ; β_2 = parâmetros a serem estimados. Os índices gerados (S) foram utilizados como entrada para o ajuste dos modelos de crescimento e de sobrevivência. Os índices de sítio foram obtidos pela

transformação $Hd_f = Hd_a f(I_f) f(I_a)^{-1}$, para I_f = idade-índice e I_a = uma idade qualquer (método da curva-guia), resultando em:

 $S = Hd \frac{\beta_0 e^{-e(\beta_1 - \beta_2 I_i)}}{\beta_0 e^{-e(\beta_1 - \beta_2 I)}} = Hd \frac{e^{-e(\beta_1 - \beta_2 I_i)}}{e^{-e(\beta_1 - \beta_2 I)}}$ (4), em que S é a altura dominante (m) na idade-

índice li (índice de sítio) e Hd é a altura dominante observada na idade l, sendo as idades em meses.

Para estimar a sobrevivência futura (N₂) foi seguida a metodologia descrita por Campos e Leite (2017). Inicialmente foi realizada a contagem do número de árvores em todas as parcelas e medições. Posteriormente os dados foram organizados em estrutura de projeção, com as informações pareadas ano a ano. A base de dados completa foi então separada em 50% dos dados para treinamento e 50% para validação dos modelos e RNA convencional e profunda.

O modelo ajustado para estimar N₂ foi $N_2 = N_1 + e^{\beta_0 \left(I_2^{-\beta_1} - I_1^{-\beta_1}\right)} + \varepsilon$ (5) (Pienaar e Shiver, 1981), em que: N₁ = número de árvores por hectare em uma idade atual, N₂ = número de árvores por hectare em uma idade futura, I₁ e I₂ = idade quaisquer, anterior e posterior, respectivamente, e β_0 ; β_1 = parâmetros a serem estimados. Esta relação funcional é obtida ao transformar um modelo de predição $Y = \phi_0 e^{\phi_1 X^{-\phi_2}} + \varepsilon$ em um modelo de projeção, pela mesma transformação simples utilizada no caso do

método da curva-guia, $N_{2} = N_{1} \frac{\phi_{0} e^{\phi_{1} I_{2}^{-\phi_{2}}}}{\phi_{0} e^{-\phi_{1} I_{1}^{-\phi_{2}}}} = e^{\phi_{1} I^{-\phi_{2}}} e^{-\phi_{1} I^{-\phi_{2}}}$ $N_{2} = N_{1} e^{\phi_{1} \left(I_{2}^{-\phi_{2}} - I_{1}^{-\phi_{2}}\right)}$

4.3. Modelagem do crescimento em diâmetro e altura

Inicialmente utilizamos um algoritmo genético implementado no software Select® (BINOTI, 2012) para separar os dados em duas sub-amostras, sendo uma para ajuste de regressão (e treino de redes neurais) e outra para validação. A separação resultou em cerca de 50% dos dados para ajuste dos modelos de regressão e treinamento das redes e os outros 50% dos dados para validação.

Com a amostra separada para ajuste (ou treino) foram ajustados três modelos para diâmetro (dap) e para altura total (Ht) (Tabela 1). O modelo de Pienaar e Shiver (1981) foi ajustado na forma apresentada pelos autores, ou seja, numa estrutura de projeção explicita. Para que fosse possível utilizar todos os dados da sub-amostra de treino os modelos exponencial e Gompertz (transformados ela inclusão do índice de sítio) foram ajustados como modelos de predição, sendo as equações transformadas

por $Y_f = Y_a f(x_f) f(x_a)^{-1}$. No caso do modelo de Pienaar e Shiver optamos pelo ajuste já na forma de projeção para se ter uma base comparativa com outros estudos. Os ajustes dos modelos foram feitos com o *software Statistica 12.0* (STATSOFT, INC, 2018), utilizando o método de estimação *Livenberg-Marquardt*.

Tabela 1 - Modelos de regressão aju	ustados para	diâmetro e	altura tota
-------------------------------------	--------------	------------	-------------

Modelos				
Pienaar e Shiver (1981)	$Y_2 = Y_1 + \exp\left(-\beta_0 \left(I_2^{\beta_1} - I_1^{\beta_1}\right)\right) + \varepsilon$			
Exponencial Modificado	$Y = e^{\beta_0 + \beta_2 I^{-1} S^{-1}} + \varepsilon$			
Gompertz Modificado	$Y = \beta_0 e^{-e(\beta_1 - \beta_2 IS)} + \varepsilon$			

 $Y_1 e Y_2 = Diâmetro no tempo atual e futuro (cm) ou altura no tempo atual e futuro (m) ou número de árvores por hectare atual e futuro; <math>I_1 e I_2 = Idade atual e futura (meses);$ $S = indice de sítio (m); Ln = Iogaritmo neperiano; <math>\beta_0$; β_1 ; $\beta_2 = parâmetros a serem estimados; <math>\varepsilon = erro aleatório.$

Para o modelo de Pienaar e Shiver (1981), foram avaliadas duas situações: (a) uma única equação de crescimento para todos os dados; (b) uma equação de crescimento para cada classe de índice de sítio (I, II e III).

Os modelos Exponencial e Gompertz, ajustados como modelos de predição, foram convertidos em modelos de projeção, conforme Campos e Leite (2017), com a

aplicação da transformação já mencionada, $Y_f = Y_a f(x_f) f(x_a)^{-1}$, resultando nos seguintes estimadores:

 $Y_{2} = Y_{1} \frac{e^{\beta_{0} + \beta_{2}I_{2}^{-1}S^{-1}}}{e^{\beta_{0} + \beta_{2}I_{1}^{-1}S^{-1}}} e^{Y_{2}} = Y_{1} \frac{\beta_{0}e^{-e(\beta_{1} - \beta_{2}I_{2}S)}}{\beta_{0}e^{-e(\beta_{1} - \beta_{2}I_{1}S)}} = Y_{1} \frac{e^{-e(\beta_{1} - \beta_{2}I_{2}S)}}{e^{-e(\beta_{1} - \beta_{2}I_{1}S)}}, \text{ em que: Y é o dap ou a set of the set$

altura total e as demais variáveis conforme já definido. De acordo com Campos e Leite (2017) a aplicação dessas relações funcionais resulta em consistência nas projeções, de modo que o crescimento estimado para uma idade atual é igual ao crescimento observado nessa idade, ou seja, os modelos passam a ser de projeção em lugar de predição.

4.4. Treinamento de redes neurais artificiais

4.4.1. Redes neurais convencionais

Foram testadas diferentes arquiteturas de redes Multilayer Perceptrons (MLP), sendo avaliadas combinações de diferentes funções de ativação nas camadas oculta e de saída (tangente hiperbólica e logística). O número de neurônios na camada oculta foi dois, definido em função do número de variáveis de entrada e de saída (Tabela 2).

 $x' = \frac{(x - x_{\min})}{(x_{\max} - x_{\min})}$

Para a normalização dos dados utilizou-se a transformação

(6), em que X' é o valor normalizado e X_{min} e X_{max} são os valores mínimo e máximo da variável.

Estimativa	Saída	Entradas Numéricas
	dap ₂	dap_1, I_1, I_2
Crossimonto	dap ₂	dap ₁ , I ₁ , I ₂ , s
Crescimento	Ht ₂	Ht_1, I_1, I_2
	Ht ₂	Ht ₁ , I ₁ , I ₂ , s
Sobrevivência	N ₂	N_1, I_1, I_2

Tabela 2 - Variáveis utilizadas no treinamento de redes neurais artificiais para predição de diâmetro, altura e sobrevivência de árvores

 $dap_1 e dap_2 = Diâmetro no tempo atual e futuro (cm); <math>ht_1 e ht_2 = altura no tempo atual e futuro (m); N_1 e N_2 = número de árvores por hectare atual e futuro; <math>I_1 e I_2 = Idade atual e futura (meses); S = índice de sítio (m); e Hd = altura dominante (m).$

O algoritmo de treinamento empregado foi o *Resilient Propagation* (RPROP +) utilizando-se o *software NeuroForest 4.0.* O treinamento foi encerrado quando a execução do algoritmo alcançou 3.000 ciclos.

4.4.2. Redes neurais profundas (deep learning)

Para treinamento da rede neural profunda foi utilizado o pacote H2O (LEDELL et al., 2020), que é uma plataforma de *machine learning* e preditiva, de software livre, com execução em *R Studio* (R CORE TEAM, 2020). As variáveis de entrada foram as mesmas utilizadas no treinamento das redes convencionais (Tabela 2).

Foram testadas diferentes arquiteturas de redes neurais profundas, as quais resultaram em diferentes quantidades de camadas ocultas e neurônios. Nas camadas

ocultas foram testadas as funções de ativação dos neurônios: *Tanh*, *TanhDropout*, *Rectifier Maxe RectifierDropout e Maxout*. Para camada de saída foi utilizada a função de ativação linear em todas as redes neurais profundas treinadas. Já a função de erro, que tem por finalidade diminuir o erro durante o treinamento da rede foi a *Quadratic* (erro quadrático) e a distribuição Gaussiana. O algoritmo de treinamento empregado foi o Gradiente descendente. As demais configurações seguiram o padrão do pacote H20 R.

4.5. Validação

Os modelos de regressão e as RNA convencional e profunda foram avaliadas, considerando os seguintes parâmetros estatísticos: Coeficiente de correlação (r_{yy}), equação (7); viés (bias), equação (8); Raiz quadrada do erro quadrático médio (RQEM), equação (9); Erros relativos (ER%), equação (10); e análises gráficas. Quanto maior o valor obtido de coeficiente de correlação e menor RQEM e *bias,* melhor a previsão da estimativa.

$$r_{y\bar{y}} = \frac{n^{-1} \sum_{i=1}^{n} (Y_{pi} - \hat{Y}_{m})(Y_{i} - \overline{Y})}{\sqrt{n^{-1} \sum_{i=1}^{n} (Y_{pi} - \hat{Y}_{m})^{2} n^{-1} \sum_{i=1}^{n} (Y_{i} - \overline{Y})^{2}}}$$
(7)

$$Bias = \sum_{i=1}^{n} \frac{\left(Y_{pi} - Y_{i}\right)}{n}$$
(8)

$$RQEM \% = 100\overline{Y}_{i}^{-1} \sqrt{n^{-1} \sum_{i=1}^{n} (Y_{i} - Y_{pi})^{2}}$$
(9)

$$ER\% = 100 \left(\frac{Y_{pi} - Y_i}{Y_i}\right) \tag{10}$$

Em que: \mathcal{N} : número de observações, Y_{pi} : produção predita, Y_i : produção observada, \overline{Y} : média das produções observadas.

5. RESULTADOS E DISCUSSÃO

5.1. Classificação da capacidade produtiva

Para classificação da capacidade produtiva os dados de Hd variaram de 17 a 36 metros na idade índice (I_i) de 72 meses. O método da curva-guia foi aplicado com o uso do modelo de Gompertz, gerando assim a equação utilizada para estimar Hd numa idade qualquer. O ajuste resultou em um coeficiente de determinação (R²) igual a 0,7170 e RQEM igual a 13,4236%.

Aplicado o modelo de Gompertz e considerando a idade índice (Ii) igual a 72 meses, foram geradas 6 curvas, cada uma representando valores de sítio (S) de 18 a 38 metros, abrangendo idades entre 12 e 120 meses, as quais foram agrupadas em três grupos denominados Classe I, Classe II e Classe III (Tabela 3), representando capacidade produtivas do local (Figura 4).

Figura 4 - Curvas de índices de sítio para povoamento de clones híbridos de Eucalyptus urophylla X Eucalyptus grandis localizados no estado de Minas Gerais com idade-índice de 72 meses



A delimitação dos intervalos e consequentemente os centros de classe de cada sítio é uma variável importante, pois a capacidade produtiva do local influencia diretamente no desenvolvimento do povoamento.

Sítio	Drodutividado	Amplitude da	Centro de Classe	
3110	FIGUUIMUAUe	Classe (Hd)		
Classe I	Alta	<i>H</i> _d > 31	34	
Classe II	Média	$25 < H_d \leq 31$	28	
Classe III	Baixa	<i>H</i> _d ≤ 25	22	

Tabela 3 - Curvas de índices de sítio para clones e híbridos de *Eucalyptus urophylla X Eucalyptus grandis*

Analisando os resultados de capacidade produtiva, pode-se observar que a frequência dos índices atingidos pela maioria das árvores mensuradas encontra-se na Classe II. Isto é, a maioria dos indivíduos podem atingir alturas de 25 a 31 m na idade de colheita aos 72 meses.

5.2. Modelos de regressão

Para as estimativas da variável dap₂ os valores obtidos de coeficiente de correlação variaram de 0,9391 a 0,9417 e os valores de RQEM entre 7,6840 e 7,9831 (Tabela 4). O modelo de Pienaar e Shiver (1981) apresentou maior valor de $_{nyy}$ e redução no RQEM e *bias* no ajuste que considerou a estratificação da área, os parâmetros estatísticos considerados demonstraram que o ajuste por classe de sítio tornou-o modelo mais eficaz e preciso. Em estudos Taquetti (2014) descreveu a eficácia da estratificação da área na estimativa de produção de madeira em povoamentos de *Eucalyptus sp.* E ainda, de acordo com Campos e Leite (2017) Y = f(I, S) pode resultar em estimativas consistentes, permitindo avaliar o efeito da capacidade produtiva do local.

Para os modelos de projeção o modelo Exponencial apresentou melhor desempenho na avaliação estatística apresentando maiores valores $r_{\hat{y}y}$ e redução nos valores de RQEM *e bias* comparado aos demais modelos para estimar a variável dap₂.

Modelo (dap ₂)	Estratificação	eta_0	β_1	β_2	Bias	RQEM	ŕŷy
Pienaar e Shiver		5 3117	-0 5332		0.0962	7 8888	0 9391
(1981)		0,0117	0,0002		0,0002	7,0000	0,0001
Pienaar e Shiver	Classo	3 7280	-0 4037				
(1981)	Classe	5,7209	-0,4037				
	Classe II	5,8748	-0,5675		0,0747	7,7673	0,9399
	Classe III	7,9285	-0,6892				
Exponencial		2 0505	200 75	7 4200	0.0500	7 6040	0.0447
Modificado		2,9505	-389,75	7,4399	0,2592	7,6840	0,9417
Gompertz Modificado		0,3483	0,2090	0,0411	0,2545	7,9831	0,9394

Tabela 4 - Estimativas dos parâmetros dos modelos de regressão ajustados para estimar o diâmetro futuro (dap₂) de árvores de eucalipto na área de estudo e correspondentes estatísticas de precisão e de exatidão

Analisando os gráficos, verificou-se que há alta correlação entre os dap₂ estimados e observados indicando a eficácia na estimativa da variável desejada (Figura 5). O modelo Exponencial apresenta uma sutil propensão ao agrupamento dos pontos no eixo de 45º apontando um melhor desempenho em estimar a variável *dap*₂ comparado ao demais modelos. Verificando os gráficos de erro relativo é possível observar uma tendência de subestimação da variável entre as classes de 10 a 20 cm de dap. Os histogramas de frequência dos resíduos apresentam uma maior distribuição dos erros entre as classes -30% a 30%, com exceção do modelo Pienaar e Shiver (1981) no ajuste geral dos dados e o modelo de Gompertz que, mesmo tendo subestimação, a frequência em que acontece é de menor grau, tendendo a normalidade.



Figura 5 - Análise gráfica dos resíduos dos modelos de regressão para variável dap2

Na estimativa de Ht₂ os modelos apresentaram desempenho semelhantes aos observados para estimativa do dap₂, o modelo de Pienaar e Shiver (1981) com ajuste geral dos dados apresentou valor de r_{yy} sutilmente maior do que o ajuste com os dados estratificados por classe de sítio, entretanto, no ajuste do modelo estratificado houve redução no RQEM e *bias* (Tabela 5). O modelo Exponencial modificado novamente apresentou maior valor de r_{yy} e redução de RQEM (Tabela 5), enquanto, que o valor de *bias* foi de 0,2329 menor somente que o valor do *bias* 0,2900 do modelo de Gompertz.

Tabela 5 - Estimativas dos parâmetros dos modelos de regressão ajustados para estimar a altura total futura (Ht₂) de árvores de eucalipto na área de estudo e correspondentes estatísticas de precisão e de exatidão

Modelo (Ht ₂)	Estratificação	eta_0	β_1	β_2	Bias	RQEM	Γ _{ŷy}
Pienaar e Shiver		5 2086	-0 32/1		0.2056	11 //3/	0 8503
(1981)		3,2000	-0,3241	-0,3241	0,2000	11,4404	0,0090
Pienaar e Shiver (1981)	Classe I	7,1669	-0,0905		0,1519	11,3586	0,8587
	Classe II	5,7985	-0,3949				
	Classe III	5,2188	-0,4156				
Exponencial		2 4905	515 9175	0.0570	0 2220	10 5612	0.8610
Modificado		3,4095	-545,6175	-0,0570	0,2329	10,5015	0,8010
Gompertz		1 0029	0.4601	0 0271	0 2000	11 2651	0 9579
Modificado		1,0030	0,4001	0,0371	0,2900	11,3031	0,0070

Analisando os gráficos observa-se que a distribuição das estimativas e dos valores observados de Ht₂ tendem a se concentrar em torno da linha de 45º no gráfico de dispersão, com propensão a subestimar e superestimar a variável de interesse. Os gráficos

de erro relativo demonstram uma capacidade de erro superestimado da variável nos valores de Ht maiores que 20 metros, essa tendencia se demonstra atenuada no modelo Exponencial modificado. Os histogramas de frequência dos resíduos no geral tendem a normalidade, com pequenas concentrações de -50 a -30 e 50 a 100, a maior concentração das frequências de resíduos entre -30 e 30 é observada no modelo Exponencial modificado.







Para estimativa da sobrevivência futura (N₂) o modelo de Pienaar e Shiver (1981) apresentou bom desempenho estatísticos (Tabela 6) com coeficiente de correção próximo de 1 e valor de RQEM menor que 10%. Resultados semelhantes foram observados por Penido et al., (2019), Salles (2016) e Nogueira et al., (2005) ao estimar sobrevivência utilizando o modelo de Pienaar e Shiver (1981).

Tabela 6 - Parametros do modelo de regressão para variavel N2						
Modelo (Ht ₂)	eta_0	β_1	Bias	RQEM	Ŷŷy	
Pienaar e Shiver	0 00004	1 56309	3 7517	2 0895	0 9911	
(1981)	0,00004	1,00000	0,7017	2,0000	0,0011	

Tabela 6 -	Parâmetros	do	modelo	de	regressão	para	variável	N
	i aramotroo	40	11100010	40	109100040	puiu	vana voi	

Nas análises gráficas (Figura 7) é possível observar alta correlação entre a variável observada e estimada, com a grande maioria dos pontos concentrados em torno do eixo de 45º. O erro relativo também apresentou essa tendência com baixos valores de erro se concentrando em torno do eixo "x". O histograma de erros relativos evidenciou o ocorrido resultando em grande acúmulo do erro em torno de zero.

Figura 7 - Análise gráfica dos resíduos do modelo de regressão Pienaar e Shiver (1981) para variável N₂



Pode-se observar que a mortalidade natural das árvores observadas na base de dados foi pequena, diminuindo ligeiramente o número de árvores ao longo dos

anos. Salienta-se que a estimativa da quantidade de árvores mortas é de difícil previsibilidade, aleatório e com causas não complementarmente identificadas em uma unidade de manejo ou povoamento (CASTRO *et al.,* 2013).

De acordo com Campos e Leite (2017) para projeção em povoamentos de eucalipto, se a mortalidade for insignificante entre cerca de três e sete anos. Há a alternativa de estimar a taxa de sobrevivência por classe de *dap*. Outra sugestão seria admitir uma taxa fixa de mortalidade ou sobrevivência para o povoamento em questão, tendo em vista, que se trata de um povoamento de clone de híbridos de *Eucalyptus grandiis X Eucalyptus urophylla*.

5.3. Redes neurais artificiais e Redes neurais profundas

Os resultados estatísticos para avaliação das RNA convencional e profunda podem ser analisados na Tabela 7. Para a estimativa das variáveis dap₂ e Ht₂ observase que ocorreu melhor desempenho da RNA profunda com maior valor de r_{yy} e redução no RQEM e bias comparada a RNA convencional.

			proranau purue	[,] vulluvolo uupz o ritz.
RNA	Saída	Bias	RQEM	r _{ŷy}
RNA	Dap ₂	0,0152	7,4247	0,9424
convencional	Ht ₂	0,0776	9,6324	0,8837
RNA	Dap ₂	-0,0723	7,2788	0,9468
profunda	Ht ₂	-0,0785	8,5847	0,9089

Tabela 7 - Parâmetros das RNA convencional e profunda paras variáveis dap₂ e Ht₂.

Analisando os gráficos (Figura 8) observa-se que a distribuição das estimativas e dos valores observados de dap₂ tendem a se concentrar em torno da linha de 45^o no gráfico de dispersão, com propensão a superestimar a variável de interesse para RNA convencional e também RNA profunda. O gráfico de erro relativo, assim como nas regressões (Figura 7), novamente aponta maior dispersão dos erros nos dap de 10 a 20 cm, entretanto nas RNA é possível observar que além da subestimação há superestimação da variável estimada (dap₂). Os histogramas de frequência dos resíduos para estimativa do dap₂ apresentam pequenos acúmulos de frequência de - 50 a 50, com leve tendência a normalidade.



Já para estimativa da Ht₂ é possível observar que a RNA profunda apresentou melhor desempenho, demonstrando que a distribuição das estimativas e dos valores observados tendem a se concentrar em torno da linha de 45º no gráfico de dispersão, que o gráfico de erro relativo apresenta os pontos aparentemente mais próximos do eixo "x" com alguns problemas de superestimação da variável, o histograma de frequência do erro tende a normalidade com uma maior concentração em torno de zero.

Figura 9 - Análise gráfica das RNA convencional e profunda para variável Ht2





Para estimativa da sobrevivência futura (N₂), observa-se que as RNA convencional e profunda apresentaram bom desempenho estatísticos (Tabela 8) com coeficiente de correção próximo de 1 e valor de RQEM menor que 10%. Pode se observar melhor desempenho da RNA profunda comparada a RNA convencional, com menor valor de RQEM e aumento sutil no r_{yy} .

RNA	Saída	Bias	RQEM	Г _{ŷy}
RNA	Na	-3,9096	1,7778	0,9944
convencional	TN2			
RNA	N ₂	1 6093	1 5810	0 9947
Profunda	1.42	1,0000	1,0010	0,0011

Tabela 8 - Parâmetros das RNA convencional e profunda paras variáveis N₂.

Para as análises gráficas (Figura 10) é possível observar alta correlação entre a variável observada e estimada, com os pontos concentrados em torno do eixo de 45°. O erro relativo apresentou baixos valores de erro se concentrando em torno do eixo "x" e histograma de erros relativos apresentou grande acúmulo do erro em torno de zero.

Figura 10 - Análise gráfica das RNA convencional e profunda para variável N2





5.4. Análise dos resíduos

Quando se trata de árvores individuais, quase sempre irão ocorrer alguns casos discrepantes. Na Figura (11) é possível observar que a quantidade de pontos em destaque é de pequena proporção, as árvores que compõe esse agrupamento representam apenas 0,35% da totalidade dos dados. Em estudo de modelagem de árvore individual Abreu (2019) descreve sobre a influência dos dados discrepantes em aumentar a inclinação da curva ajustada e avaliou metodologias para reduzir esta influência na modelagem.





Os histogramas de resíduos das regressões e RNA convencional e profunda, apresentaram tendência a normalidade, demonstrando que apesar da presença dos dados discrepantes não ocorreu interferências significativas para projetar dap₂, Ht₂ e N₂.

Para buscar entender se o erro ocorre em função da idade, foram gerados os gráficos da Figura 12, 13 e 14, com erro relativo (ER%) em função da idade em meses. Para projeção do dap₂ verificou-se que para as regressões e RNA o erro ocorreu independente da idade e que nas maiores idades, de 84 a 108 meses, esse erro tendeu a ser menor em todos os métodos. Para as RNA convencional e profunda observa-se que de modo geral os erros ficaram mais dispersos.



Figura 12 - Erro relativo em função das idades (meses) para projeção de Dap₂ das árvores individuais

Na Figura 13 verifica-se novamente que o erro ocorreu independente da idade com ocorrência maior de superestimação do erro em projetar a variável Ht₂. Em comparação as regressões, as RNA convencional e profunda demonstraram os erros mais atenuados até a idade de 84 meses.

Figura 13 - Erro relativo em função das idades (meses) para projeção de Ht₂ das árvores individuais





Para projeção de sobrevivência (N₂) observou se na Figura 14 que o erro novamente ocorreu independente da idade, para todos os métodos o erro foi baixo com aproximação dos pontos em torno do eixo "x".

Figura 14 - Erro relativo em função das idades (meses) para projeção de N2



6. CONCLUSÕES

Com este estudo pode-se concluir que:

As RNA convencional e profunda foram mais eficientes para projetar dap₂, Ht₂ e N₂, apresentando melhor desempenho nos parâmetros estatísticos avaliados e nas análises gráficas. Portanto, ao construir modelos de árvores individuais para povoamentos de eucalipto é importante verificar o possível ganho de exatidão nas estimativas de diâmetro e altura com o uso de RNA, clássica e profunda, em relação ao emprego de regressão, ainda que utilizando as mesmas variáveis de entrada do método paramétrico.

REFERÊNCIAS

ABREU, J. C. Alternativas para estimar o volume de árvores individuais em formações florestais no estado de Minas Gerais. 2019. 82 f. Tese (Doutorado em Ciência Florestal) - Universidade Federal de Viçosa, Viçosa. 2019.

ASSMANN, E., **The principles of forest yield study.** New York: Pergamon Press, 1970 506p.

AVERY, T.E.; BURKHART, H. E. Forest Mensurements. 4. ed., New York: McGraw-Hill Book, 1994, 408 p.

BELCHER, D. W.; HODOWAY, M. R.; BRAND, G. J. **A Description of STEMS:** The stand and tree evaluation and modeling system. USDA: Forest Service, 1982. 17 p.

BINOTI, D. H. B. **Computer systems applied to forest management.** 2012. 122 f. Tese (Doutorado em Manejo Florestal; Meio Ambiente e Conservação da Natureza; Silvicultura; Tecnologia e Utilização de) - Universidade Federal de Viçosa, Viçosa, 2012.

BINOTI, M. L. M. D. S.; BINOTI, D. H. B.; LEITE, H. G. Aplicação de redes neurais artificiais para estimação da altura de povoamentos equiâneos de eucalipto. **Revista Árvore.** V.37, n.4, p.639-645, 2013.

BINOTI, M. L. M. S. Emprego de redes neurais artificiais em mensuração e manejo florestal. 2012. 130f. Tese (Doutorado) - Universidade Federal de Viçosa, Viçosa, 2012.

BINOTI, M. L. M. S. **Rede neurais artificiais para prognose da produção de povoamentos não desbastados de eucalipto**. 2010. 54 f. Dissertação (Mestrado) – Universidade Federal de Viçosa, Viçosa, 2010.

BRAGA, A.P.; CARVALHO, A.P.L.F.; LUDEMIR, T.B. **Redes Neurais Artificiais**: Teoria e Aplicações. Rio de Janeiro, RJ. Editora LTC. 262 f. 2000.

CAMPOS, J. C.; LEITE, H. G. Mensuração Florestal: Preguntas e respostas. Viçosa: UFV, 5. Ed, 2017, 636 p.

CARRANZA, F. Recomendación de Música Basada en Contenido con Deep Learning. Universidad Nacional de Córdoba, Argentina, 2018.

CASTRO, R. **Modelagem de crescimento em nível de árvores individuais utilizando redes neurais e autômatos celulares**. Dissertação (Mestrado em Ciência Florestal) – Universidade Federal de Viçosa, Viçosa, 2011.

Ciência e Ambiente, Santa Maria, v. 20, n. 1, p. 53-69, 2000.

Ciência e Ambiente, Santa Maria, v. 20, n. 1, p. 53-69, 2000.

CLUTTER, J. L.; FORTSON, J. C.; PIENAAR, L. V.; BRISTER, G. H.; BAILEY, R. L. **Timber management:** A quantitative approach. New York: John Wiley & Sons, 1983.

333 p.

COTRIM, A. N.; PEDRINI, H. Identificação de Espécies de Árvores por Imagens de Tronco Utilizando Aprendizado de Máquina Profundo. 2019. Instituto de Computação, Universidade Estadual de Campinas, Campinas-SP, 2019.

CRUZ, J. P.; LEITE, H. G.; SOARES, C. P. B.; CAMPOS, J. C. C.; SMIT, L.; NOGUEIRA, G. S.; OLIVEIRA, M. L. R. Modelos de crescimento e produção para plantios comerciais jovens de Tectona grandis em Tangará da Serra, Mato Grosso. **Revista Árvore**, Viçosa, v.32, n.5.

DANIELS, R. F.; BURKHART, H. E. **Simulation of individual tree growth and stand development in managed loblolly pine plantations.** Blacksburg: Virginia Polytechnic Institute and State University, 1975. (Publ. FWS – 5 – 75).

DATA CAMP. **Differences Between Machine Learning & Deep Learning.** Disponível em: *<ht*tps://www.datacamp.com/community/tutorials/machine-deep-learning>. Acesso em: jun de 2020.

DATA SCIENCE ACADEMY. **Dcoeep Learning Book, 2019.** Disponível em: <*ht*tp://www.deeplearningbook.com.br/>. Acesso em: jun de 2020.

DAVIS, L. S.; JONHSON, K.N. Forest Management. 3. ed., New York: McGraw-Hill Book, 1987. 790 p.

EMPRESA BRASILEIRA DE PESQUISA AGROPECUÁRIA – EMBRAPA. **Transferência de Tecnologia Florestal:** Eucalipto. Disponível em: <https://www.embrapa.br/florestas/transferencia-de-tecnologia/eucalipto/perguntase-respostas>. Acesso em: jul de 2020.

FOOD AND AGRICULTURE ORGANIZATION OF THE UNITED NATIONS – FAO. **Global Forest Resources Assessment 2020 key findings.** Disponível em: <*ht*tp://www.fao.org/3/CA8753EN/CA8753EN.pdf>. Acesso em: jun de 2020.

GLOVER, G. R.; HOOL, J. N. A basal area ratio predictor of loblolly pine plantation mortality. **Forest Science**, Washington, v. 25, n. 2, p. 275-282, 1979.

GUAN, B.T.; GERTNER, G. Using a parallel distributed processing system to model individual tree mortality. **Forest Science**, Bethesda, v. 37, n. 3, p. 871-885, 1991.

HASENAUER, H. Princípios para a modelagem de ecossistemas florestais.

HASENAUER, H.; MONSERUD, R.A. A crow model for Austrian species. **Forest Ecology and Management**, Amsterdam, v. 84, n. 1-3, p. 49-60, 1997.

HAYKIN, S. **Redes neurais: princípios e prática**. 2. ed. Porto Alegre: Bookman, 2001. 900 p.

IBGE. Instituto Brasileiro de Geografia e Estatística. **Produção da extração vegetal e da silvicultura 2019.** Disponível em: < https://biblioteca.ibge.gov.br/visualizacao/periodicos/74/pevs_2019_v34_informativo. pdf>. Acesso em: jun. 2021. INDÚSTRIA BRASILEIRA DE ÁRVORES. **Relatório 2020:** Indústria Brasileira de árvores. Disponível em: *<ht*tps://iba.org/datafiles/publicacoes/relatorios/iba-relatorioanual2020.pdf>. Acesso em: mar de 2020.

INNOARC*HT*ECH INSTITUTE. Deep Learning. Disponível em: <*ht*tps://www.innoarchitechinstitute.com/>. Aceso em: jun de 2020.

LECUN, Y.; BENGIO, Y.; HINTON, G. Deep learning. Nature. 2015. (521): 436-444.

LEDELL, E. et al. h2o: R Interface for the 'H2O' Scalable Machine Learning

Platform, R package version 3.28.0.4, R Foundation for Statistical Computing: Vienna,

Austria, 2020.

LEDUC, D. J.; MATNEY, T. G.; BELLI, K. L.; BALDWIN, V. C. JR. Predicting diameter distribution of longleaf pine plantations: A comparison between artificial neural networks and other accepted methodologies. **Forest Service, United States Deparment of Agriculture.** Research paper. SRS-25, 2001.

LEE, Y. J. Predicting mortality for even-aged stands of lodgepole pine. **The Forestry Chronicle**, Mattawa, v. 47, n. 1, p. 29-32, 1971.

LIPPNANN, R. An introduction to computing with neural nets. **ASSP Magazine**, v.4, n.2, p.4-22, 1987.

MAGALHÃES, J.G. de S. **Prognose e regulação de florestas de eucalipto utilizando modelo de crescimento e inteligência computacional**. Dissertação (Mestrado emCiência Florestal) - Universidade Federal de Viçosa, Minas Gerais. 2014.

MARTINS, F.B.; SOARES, C.P.B.; LEITE, H.G.; SOUZA, A.L.; CASTRO, R.V.O. Índices de competição em árvores individuais de eucalipto. **Pesquisa Agropecuária Brasileira**, v.46, p.1089-1098, 2011.

MIRANDA, W. R. Netflix: Big Data e os algoritmos de recomendação. Intercom – Sociedade Brasileira de Estudos Interdisciplinares da Comunicação. **XXII Congresso de Ciências da Comunicação na Região Sudeste** – Volta Redonda - RJ. jun 2017.

NOGUEIRA, G. S.; LEITE, H. G.; CAMPOS, J. C. C.; CARVALHO, F. A.; SOUZA, A. L. Modelo de distribuição diamétrica para povoamentos de Eucalyptus sp. submetidos a desbaste. **Revista Árvore**, Viçosa, v.29, n.4, p.579-589, 2005.

OLIVEIRA, Petronio Diego Silva de. Uso de aprendizagem de máquina e redes neurais convolucionais profundas para a classificação de áreas queimadas em imagens de alta resolução espacial. 2019. viii, 23 f., il. Dissertação (Mestrado em Geografia) — Universidade de Brasília, Brasília, 2019.

OLIVEIRA, Wellington. Software para reconhecimento de espécies florestais a partir de imagens digitais de madeiras utilizando deep learning. 2018. 103 f. Dissertação (Mestrado em Tecnologias Computacionais para o Agronegócio) – Universidade Tecnológica Federal do Paraná, Medianeira, 2018.

PEET, R. K.; CHRISTENSEN, N. L. Competition and tree death. **BioScience**, Washington, v. 37, n. 8, p. 586-595, 1987.

PENIDO, T. M. A., LAFETÁ, B. O., NOGUEIRA, G. S., ALVES, P. H., GORGENS, E. B., & OLIVEIRA, M. L. R. (2020). Modelos de crescimento e produção para a estimativa volumétrica em povoamentos comerciais de eucalipto. **Scientia Forestalis**, 48(128). v 48. n 128.

PIENNAR, L. V.; SHIVER, B. D. Survival function for site prepared slash pine plantations in flat Woods of Georgia Northern Florida. **Southern Journal Forestry**, Bethesda, v. 5, n. 2, p. 59-62, 1981.

ROSSI, L. M. B.; KOEHLER, H. S.; SANQUETTA, C. S.; ARCE, J. E. Modelagem de mortalidade em florestas naturais. **FLORESTA**, Curitiba, PR, v. 37, n. 2, mai./ago. 2007.

SALLES, T. T. **Simulação de florestas equiâneas.** 2016. 138f. Tese (Doutorado em Ciência Florestal) - Universidade Federal de Viçosa, Viçosa. 2016.

SALLES, T.T., LEITE, H.G., NETO, S.N. DE O., SOARES, C.P.B., PAIVA, H.N., SANTOS, F.L. Modelo de Clutter na modelagem de crescimento e produção de eucalipto em sistemas de integração lavoura-pecuária-floresta. **Pesquisa Agropecuaria Brasileira**, v.47, n.2, p.253-260, 2012.

SILVA, G. C. C.; CALEGARIO, N.; DILVA, A. A. L.; CRUZ, J. P.; LEITE, H. G. Site index curves in thinned and non-thinned eucaliptos stands. **Forest Ecology and Management**. v.408, p.36-44, 2018.

SILVA, I N da; *et al.* **Redes neurais artificiais:** para engenharia e ciências aplicadas: curso prático. São Paulo: Artliber, 2010. 399 p.

SILVA, M.L.M. da; BINOTI, D.H.B.; GLERIANI, J.M.; LEITE, H.G. Ajuste do modelo de Schumacher e Hall e aplicação de redes neurais artificiais para estimar volume de árvores de eucalipto. **Revista Árvore**, v.33, n.6, p.1133-1139, 2009.

SILVA, R. L. F. **Reconhecimento de ambientes em fotos do Instagram com deep learning.** Graduação em ciência da computação – UFP. Recife – PE. 2016.

SOBRINHO, M. V. O.; MENEZES, M. C.; NASCIMENTO, C. G. M.; BRAZ JUNIOR, G. **Reconhecimento de Sinais de Transito Utilizando Deep ^ Learning.** JIM 2016 - VI Jornada de Informática do Maranhão.

SOUZA, E. P.; GOMES, C. M.; BARROSO, D. H.; MIRANDA, V. L.; GURGEL-GONÇALVES, R. Aplicações do Deep Learning para diagnóstico de doenças e identificação de insetos vetores. **Saúde Debate**. Rio de janeiro, v. 43, N. Especial 2, p. 147-154, nov 2019.

STAGE, A. R. Prognosis model for stand development. **USDA For. Serv. Res. Pap. INT-137**. Washington, DC, 1973. 32 p.

STATSOFT, INC. Statistica (data analysis software system), version 12.0. 2013.

TAQUARY, E. C. Deep learning para identificação precisa de desmatamentos através do uso de imagens satelitárias de alta resolução. 2019. Dissertação (Mestrado em Ciência da Computação). Universidade Federal de Goiás, Goiás. 2019.

TAQUETTI M. F. **Método da predição de parâmetros em modelos de crescimento em função do índice de local.** (Monografia) - Universidade Federal de Viçosa. Viçosa Minas Gerais. 2014.

VANCLAY, J. K. Growh models for tropical forests: a syntesis of models and methods. **Forest Science,** Bethesda, v. 41, n. 1, p. 7-42, 1995.

VEDRUSCOLO, D. G. S.; *et al.* Estimativa da altura de eucalipto por meio de regressão não linear e redes neurais artificiais. **Revista Brasileira de Biometria,** São Paulo, v.33, n.4, p.556-569, 2015.

VEGA, A. E. D. **Modelagem de povoamentos de eucalipto no nordeste da Bahia utilizando regressão e redes neurais artificiais.** 2018. Dissertação (Mestrado) – Universidade Federal de Viçosa, Viçosa, 2018.

WYKOFF, W. R. A basal area increment model for individual conifers in the northern rocky montains. **Forest Science**, Bethesda, v. 36, n. 4, p. 1077-1104, 1990.

WYKOFF, W. R.; CROOKSTON, N. L.; STAGE, A. R. **User's guide to the stand prognosis model.** [S.1.]: USDA Forest Service, 1982. 112 p. (General Technical Report., INT – 133).

XING, W.; DU, D. Dropout prediction in MOOCs: Using deep learning for personalized intervention. Journal of Educational Computing Research, v. 57, n. 3, p. 547-570, 2019.